

GenCore version 5.1.3
Copyright (c) 1993 - 2003 CompuGen Ltd.

OW nucleic - nucleic search, using sw model

Run on: February 16, 2003, 17:00:49 ; Search time 194.042 Seconds
(without alignments)
10829.323 Million cell updates/sec

Title: US-09-497-967-44

Perfect score: 1410

Sequence: 1 atgaaaaataatttttagt.....cttattattattatgatga 1410

Scoring table: IDENTITY NUC

Gapop 10.0 , Gapext 1.0

Searched: 2773584 seqs, 745158349 residues

Total number of hits satisfying chosen parameters: 5547168

Minimum DB seq length: 0

Maximum DB seq length: 2000000000

Post-processing: Minimum Match 0%

Maximum Match 100%

Listing first 45 summaries

Database : Pending Patents_NA_New.*
1: /cgn2_6/ptodata/1/pna/PCT_NEW_COMB.seq.*
2: /cgn2_6/ptodata/1/pna/US06_NEW_COMB.seq.*
3: /cgn2_6/ptodata/1/pna/US07_NEW_COMB.seq.*
4: /cgn2_6/ptodata/1/pna/US08_NEW_COMB.seq.*
5: /cgn2_6/ptodata/1/pna/US09_NEW_COMB.seq.*
6: /cgn2_6/ptodata/1/pna/US10_NEW_COMB.seq.*
7: /cgn2_6/ptodata/1/pna/US60_NEW_COMB.seq.*

Pred. No. is the number of results predicted by chance to have a score greater than or equal to the score of the result being printed, and is derived by analysis of the total score distribution.

SUMMARIES

Result No.	Score	Query Match %	Length	DB ID	Description
1	77.4	5.5	897	6	US-10-144-771-39592
2	65.4	4.6	961	6	US-10-144-771-31796
3	60	4.3	1635	6	US-10-203-138A-8641
4	60	4.3	1973	6	US-10-203-138A-3500
5	53.4	3.8	1188	6	US-10-144-771-4034
6	52.2	3.7	510	6	US-10-203-138A-7146
7	50	3.5	1248	6	US-10-092-411A-1120
8	49	3.5	1141	5	US-09-806-708B-22
9	48	3.4	3532	6	US-10-017-161-1913
10	47.4	3.4	1954	6	US-10-144-771-1913
11	45.8	3.2	1075	6	US-10-203-138A-7632
12	45.8	3.2	1403	6	US-10-203-138A-2529
13	45.8	3.2	3489	6	US-10-194-046-1
14	45.8	3.2	11091	6	US-10-092-411A-2243
15	45	3.2	21423	5	US-09-949-004-601
16	44.4	3.1	583	6	US-10-144-771-29725
17	44.4	3.1	7040	6	US-10-311-506-48
18	44.4	3.1	7040	6	US-10-311-506-48
19	43.4	3.1	1231	6	US-10-017-161-2047
20	43.2	3.1	38918	6	US-10-017-161-2049
21	43.2	3.1	428573	5	US-09-948-124-119
22	43	3.0	263	5	US-09-531-113-48328
23	42.8	3.0	439	6	US-10-203-138A-8573
24	42.8	3.0	1664976	5	US-09-692-570-1
25	42.2	3.0	1805	6	US-10-144-771-22890
26	42.2	3.0	2323866	5	US-09-948-124-64

RESULT 1

US-10-144-771-39592

: Sequence 39592, Application US/10144771

: GENERAL INFORMATION:

: APPLICANT: VENTER, J. Craig

: TITLE OF INVENTION: HUMAN GENOME DISCOVERY SYSTEM AND USES THEREOF

: FILE REFERENCE: CL001371

: CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/144,771

: CURRENT FILING DATE: 2002-05-15

: NUMBER OF SEQ ID NOS: 47235

: SEQ ID NO 39592

: LENGTH: 897

: TYPE: DNA

: ORGANISM: HUMAN

: US-10-144-771-39592

Query Match 5.5%; Score 77.4; DB 6; Length 897;

Best Local Similarity 43.9%; Pred. No. 4.3e+08;

Matches 330; Conservative 0; Mismatches 421; Indels 0; Gaps 0;

c	27	42	3.0	574	6	US-10-203-138A-227	Sequence 227, App
	28	42	3.0	3673778	6	US-10-312-841-1	Sequence 1, Appli
	29	41.8	3.0	756	7	US-60-434-832-6082	Sequence 6082, Ap
	30	41.8	3.0	9180	6	US-10-311-455-1937	Sequence 1937, Ap
	31	41.8	3.0	17594	6	US-10-311-455-2000	Sequence 2000, Ap
	32	41.8	3.0	729	6	US-10-144-771-31479	Sequence 31479, A
	33	41.6	3.0	1118	6	US-10-144-771-33054	Sequence 33054, A
	34	41.6	3.0	1141	5	US-09-806-708B-22	Sequence 22, Appl
	35	41.2	2.9	203	5	US-09-531-113-35330	Sequence 35330, A
	36	41.2	2.9	1083	5	US-09-950-084-2103	Sequence 2103, Ap
	37	41.2	2.9	1372	6	US-10-017-161-2245	Sequence 2245, Ap
	38	41.2	2.9	3275	6	US-10-144-771-21113	Sequence 21113, A
	39	41.2	2.9	5912	6	US-10-311-455-575	Sequence 575, App
	40	41.2	2.9	6092	6	US-10-311-455-994	Sequence 994, App
	41	41.2	2.9	74105	5	US-09-950-084-7446	Sequence 7446, Ap
	42	41.2	2.9	580073	4	US-08-545-528D-1	Sequence 1, Appli
	43	41	2.9	489	6	US-10-203-138A-5026	Sequence 5026, Ap
	44	41	2.9	1278	6	US-10-092-411A-58	Sequence 58, Appl
	45	41	2.9	2297	5	US-09-724-676-30403	Sequence 30403, A

ALIGNMENTS

LENGTH: 1954
TYPE: DNA
ORGANISM: HUMAN
US-10-144-771-4707

Query Match 3.4%; Score 47.4; DB 6; Length 1954;
Best Local Similarity 46.7%; Pred. No. 0.24;
Matches 150; Conservative 0; Mismatches 171; Indels 0; Gaps 0;
QY 220 GATCGTGTGCTTAAACCAATCCACCTGCTACTGCTAAATTTAGTCACATAATGTAACGPT 279
DB 605 GCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 546
QY 280 AAATGCCCTGCTGCTACCAATTCGAGGTGGAGCAACAGATTATGACAGCAATATACACA 339
DB 545 GCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 486
QY 340 GAATGCTTAAATGTAATTAATTTTAAATGAAATGCTCCAAATTTTAAATGCAAGT 399
DB 485 GCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 426
QY 400 GCTAGTACATGACAGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 459
DB 425 GCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 366
QY 460 GCGCTACCATGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 519
DB 365 GCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 306
QY 520 GGAGTAACACTACTGATTAATGTT 540
DB 305 GCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 285

RESULT 11
US-10-203-138A-7632
Sequence 7632, Application US/10203138A
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: Molecular Dynamics, Inc.
APPLICANT: Penn, Sharon G.
APPLICANT: Rank, David R.
APPLICANT: Hanzel, David K.
APPLICANT: Chen, Wensheng
TITLE OF INVENTION: HUMAN GENOME-DERIVED SINGLE EXON NUCLEIC ACID PROBES USEFUL FOR
FILE REFERENCE: PB 0004 WO 8
CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/203,138A
PRIOR FILING DATE: 2002-08-02
PRIOR FILING DATE: 04 February 2000 (04.02.00)
PRIOR APPLICATION NUMBER: US 60/207,456
PRIOR FILING DATE: 26 May 2000 (26.05.00)
PRIOR APPLICATION NUMBER: US 09/632,366
PRIOR FILING DATE: 03 August 2000 (03.08.00)
PRIOR APPLICATION NUMBER: GB 24263 '6
PRIOR FILING DATE: 03 October 2000 (03.10.00)
PRIOR APPLICATION NUMBER: US 60/236,359
PRIOR FILING DATE: 27 September 2000 (27.09.00)
PRIOR APPLICATION NUMBER: US 60/234,687
PRIOR FILING DATE: 21 September 2000 (21.09.00)
PRIOR APPLICATION NUMBER: US 09/608,408
PRIOR FILING DATE: 30 June 2000 (30.06.00)
NUMBER OF SEQ ID NOS: 15438
SOFTWARE: Molecular Dynamics Sequence Listing Engine
SEQ ID NO 7632
LENGTH: 1075
TYPE: DNA
ORGANISM: Homo sapiens
FEATURE:
OTHER INFORMATION: MAP TO AL078472.1
FEATURE:
OTHER INFORMATION: EXPRESSED IN BT474, SIGNAL = 34
FEATURE:

OTHER INFORMATION: EST_HUMAN HIT: AV739739.1, EVALUE 1.00e+00
FEATURE:
OTHER INFORMATION: NT HIT: AL163201.2, EVALUE 2.00e-19
US-10-203-138A-7632

Query Match 3.2%; Score 45.8; DB 6; Length 1075;
Best Local Similarity 41.7%; Pred. No. 0.51;
Matches 287; Conservative 0; Mismatches 402; Indels 0; Gaps 0;
QY 288 TGCTGGTACCGCAATTCGAGGTGGAGCAACAGATTATGACAGCAATATACAGAAATGCT 347
DB 216 TGATGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 275
QY 348 TAATTTAGAAATTAATTTTATAATGAAATGCTCCAAATTTTAAATGCAAGTGGCTAGTAC 407
DB 276 TGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 335
QY 408 ATGCACAGCTTGTCCGTTAAACAGATTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 467
DB 336 TGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 395
QY 468 CATAGTCGCATAATGTAACGTGCGCATGCTCTACTGCTACTGCTACTGCTACTGCTACTG 527
DB 396 TGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 455
QY 528 TACTGATTATGTTAGATCAATTCACAGAAATGCTTAAATGCTAGACTTAACTTTTACTATAA 587
DB 456 TGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 515
QY 588 TGCTAATAATGTTAACTCTCTTCAATCCAGGTAAAAGTTAATGCCACACCTTGTCCGGC 647
DB 516 TGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 575
QY 648 AATTAACCTGCTAATGTTGCTTAAAGCTACTTTAGGTAAATGATGCTACAATAACCGCATA 707
DB 576 TAGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 635
QY 708 ATGTAACGTTGCTATGCCCTGATGGTACTATAAGTCTCTCTGGAGTAAATAATGGGTAGC 767
DB 636 TGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 695
QY 768 ACAAACACTGAATGCTACTAATTTGCTCCCTAACCTTTTACAAATAATGCTCCCTAATTT 827
DB 696 TGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 755
QY 828 CAATCCAGTAATAGTACATGCTACTACCTTGGCCAGCAATAAAGATTATGGTGGTGAAGC 887
DB 756 TGATGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 815
QY 888 CACTGAGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 947
DB 816 TCATGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 975
QY 948 TCAATTCCTAGTGGAGCAACTAATTAATG 976
DB 876 TGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 904

RESULT 12
US-10-203-138A-2529
Sequence 2529, Application US/10203138A
GENERAL INFORMATION:
APPLICANT: Molecular Dynamics, Inc.
APPLICANT: Penn, Sharon G.
APPLICANT: Rank, David R.
APPLICANT: Hanzel, David K.
APPLICANT: Chen, Wensheng
TITLE OF INVENTION: HUMAN GENOME-DERIVED SINGLE EXON NUCLEIC ACID PROBES USEFUL FO
FILE REFERENCE: PB 0004 WO 8
CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/203,138A
CURRENT FILING DATE: 2002-08-02
PRIOR APPLICATION NUMBER: US 60/180,312

; PRIOR FILING DATE: 04 February 2000 (04.02.00)
; PRIOR APPLICATION NUMBER: US 60/207,456
; PRIOR FILING DATE: 26 May 2000 (26.05.00)
; PRIOR APPLICATION NUMBER: US 09/632,366
; PRIOR FILING DATE: 03 August 2000 (03.08.00)
; PRIOR APPLICATION NUMBER: GB 24263.6
; PRIOR FILING DATE: 03 October 2000 (03.10.00)
; PRIOR APPLICATION NUMBER: US 60/236,359
; PRIOR FILING DATE: 27 September 2000 (27.09.00)
; PRIOR APPLICATION NUMBER: US 60/234,687
; PRIOR FILING DATE: 21 September 2000 (21.09.00)
; PRIOR APPLICATION NUMBER: US 09/608,408
; PRIOR FILING DATE: 30 June 2000 (30.06.00)
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 15438
; SOFTWARE: Molecular Dynamics Sequence Listing Engine
; SEQ ID NO 2529
; LENGTH: 1403
; TYPE: DNA
; ORGANISM: Homo sapiens
; FEATURE:
; OTHER INFORMATION: MAP TO AL078472.1
; FEATURE:
; OTHER INFORMATION: EXPRESSED IN BT474, SIGNAL = 34
US-10-203-138A-2529

Query Match 3.2%; Score 45.8; DB 6; Length 1403;
Best Local Similarity 41.7%; Pred. No. 0.53;
Matches 287; Conservative 0; Mismatches 402; Indels 0; Gaps 0;
QY 288 TGTGTTACCGCAATTCAGGTGGAGCAACAGATTATGACGACAAATATACACAGATGTT 347
DB 566 TGATGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 625
QY 348 TAATGTAGAAATTAATTTTAAATGAAATGCTCAAAATTTTAAATGACAGGTGCTAGTAC 407
DB 626 TGTGTAGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 685
QY 408 ATGCACAGCTTGTCCGGTAAACAGAGTTGGTGGTGCATTTGACTGGCTGGAATGCCCTAC 467
DB 686 TGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 745
QY 468 CATAGTCGCATAATGTAACGTCGATGCTCTACTGGTACTGCACCTTATGATGAGGAGTAAC 527
DB 746 TGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 805
QY 528 TACTGATTATGTTAGATCATTCACAGATGTTAAATGATAGACTTAACCTTTTACTATAA 587
DB 806 TGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 865
QY 588 TGGTAATAATGGTAATACTCCTTTCAATCCAGGTAAAGTTAATGACACCTTGTCCGGC 647
DB 866 TGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 925
QY 648 AATTAACCTGCTAATGCTTGGTAACTACTTTAGGTAAATGATGCTACATAACCCGATA 707
DB 926 TAGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 985
QY 708 ATGTAACCTGTCATGCCCTGATGCTACTATAAGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGT 767
DB 986 TGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 1045
QY 768 ACAAAACACTGAATGTAATGCTGCTCCAACTTTTACAAATTAATGCTCCTCAATTT 827
DB 1046 TGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 1105
QY 828 CAATCCAGGTAATAGTACATCCCTACCTTGCCAGCAAAATAAGATTATGGTCTGAAGC 887
DB 1106 TGATGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 1165
QY 888 CACTCAGGTGGTCCGCTACTTTAGCCAAATAATGTAATATTCATGCCCTGATGGTAC 947
DB 1166 TCATGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 1225

QY 948 TGCAATTGCTAGTGGAGCAACTAATTATG 976
DB 1226 TGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGGTGG 1254
RESULT 13
US-10-194-046-1/c
; Sequence 1, Application US/10194046
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: Robertson, Erle S.
; TITLE OF INVENTION: LANA Viral Protein Binding Sites
; FILE REFERENCE: US-07/142
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/194,046
; CURRENT FILING DATE: 2002-07-11
; PRIOR APPLICATION NUMBER: 09/410,399
; PRIOR FILING DATE: 1999-10-01
; NUMBER OF SEQ ID NOS: 22
; SOFTWARE: PatentIn version 3.1
; SEQ ID NO 1
; LENGTH: 3489
; TYPE: DNA
; ORGANISM: Kaposi's sarcoma-associated herpesvirus
US-10-194-046-1
Query Match 3.2%; Score 45.8; DB 6; Length 3489;
Best Local Similarity 44.0%; Pred. No. 0.6;
Matches 194; Conservative 0; Mismatches 247; Indels 0; Gaps 0;
QY 592 AATAATGTAATACTCCTTTCAATCCAGGTAAAGTTAATGACACACCTTGTCCGGCAAT 651
DB 2473 ACTCCTGCTCCTGCTCCTTAACCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT 2414
QY 652 AAACCTGCTAATGTTGCTTAAAGTACTTTAGGTAAATGATGCTACAAATAACCGCATAAT 711
DB 2413 CTAACTCCTGCTCCT 2354
QY 712 AACTGTCATGCCCTGATGGTACTATAAGTCTGCTGAGTAAATAATATGGGTAGCACAA 771
DB 2353 CCTCTAACTCCTGCTCCT 2294
QY 772 AACACTGAATGTAATGTTGCTCCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCTCT 831
DB 2293 GCTCCTCCTGCTCCT 2234
QY 832 CCAGGTAATGTAATGCTACCTTCCCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTG 891
DB 2233 CCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCTGCT 2174
QY 892 GCAGGTGGTCCGCTACTTTAGCCAAATAATGTAATATTTGCAATGCCCTGATGGTACTGCA 951
DB 2173 GCTGCTGCTCCT 2114
QY 952 ATGCTAGTGGAGCAACTAATTAATGTAATATTAACAGAAATGCTAAATTTGCTGCT 1011
DB 2113 CATCCTGCTGCTCCT 2054
QY 1012 AACTTTTATTTGATGGTAAT 1032
DB 2053 GCTCATCTGCTGCT 2033
RESULT 14
US-10-092-411A-2243
; Sequence 2243, Application US/10092411A
; GENERAL INFORMATION:
; APPLICANT: Lynn Doucette-Stamm et al
; TITLE OF INVENTION: NUCLEIC ACID AND AMINO ACID SEQUENCES RELATING TO STAPHYLOCOCC
; TITLE OF INVENTION: EPIDERMIDIS FOR DIAGNOSTICS AND THERAPEUTICS
; FILE REFERENCE: 032796-101
; CURRENT APPLICATION NUMBER: US/10/092,411A
; CURRENT FILING DATE: 2002-03-07
; PRIOR APPLICATION NUMBER: US 09/134,001
; PRIOR FILING DATE: 1998-08-13

